



**MUSÉUM**  
NATIONAL D'HISTOIRE NATURELLE

## Rencontres bioinformatiques du MNHN 2020

Jeudi 10 décembre 2020

(Conférence en ligne - application Zoom)

[bioinfomnhn2020.sciencesconf.org](http://bioinfomnhn2020.sciencesconf.org)

Organisateurs: Jawad Abdelkrim, Mathilde Carpentier, Romain Laurent et Loïc Ponger

# Programme

**9h50-9h55: Connexion des participants**

**9h55-10h00: Mots d'ouverture**

### Session 1

10h00-10h20 **Gachon Claire** (Dpt AVIV) Applications bioinformatiques pour l'étude des interactions algues pathogènes

10h20-10h40 **Halary Sébastien** (Dpt AVIV) Bases omiques de l'étude de l'écologie d'Aphanizomenon gracile et de sa cyanosphère

10h40-11h00 **Carpentier Mathilde** (Dpt O&E) Protein Multiple Alignments: Sequence-based vs Structure-based Programs

**11h00-11h20 : PAUSE**

### Session 2

11h20-11h40 **Boisard Julie** (Dpt AVIV) Caractériser le génome et le protéome de grégarines pour comprendre la diversification des Apicomplexes et leur adaptation à la vie parasitaire.

11h40-12h00 **Laurent Romain** (Dpt H&E) Complex genetic admixture histories reconstructed with Approximate Bayesian Computations

12h00-12H20 **Achaz Guillaume** (Dpt H&E) Quels processus expliquent la diversité au sein des espèces ?

**12h20-14h00 : DEJEUNER**

### Session 3

14h00-14h20 **Abdelkrim Jawad** (DGD REVE) Le pôle analyse : analyse de données pour l'appui à la recherche

14h20-14h40 **Duvernois-Berthet Evelyne** (Dpt AVIV) Présentation de la Cellule de Soutien Bioinformatique du département AVIV

14h40-15h00 **Le-Bras Yvan** (DGD REVE) *Galaxy-E une plateforme européenne web d'analyse de données dédiée à l'écologie*

**15h00-15h20 : PAUSE**

### Session 4

15h20-15h40 **Malard Florian** (LEHNA) et **Grison Philippe** (DGD REVE) GOTIT: Gene Occurrence and Taxa in Integrative Taxonomy

15h40-16h00 **Haschka Thomas** (Dpt AVIV), MNHN-tools: from sequences to phylogeny

16h00-16h20 **Buisine Nicolas** (Dpt AVIV), Basecaller training, and the bottleneck to bring ONT to non conventional models

**16h20 : Mots de clotures**